

この機会に是非！

アクティブ・モティフ

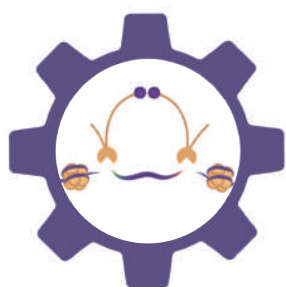
# 受託サマーキャンペーン

## 20%OFF!!

キャンペーン期間：2025 年 9 月 30 日（火）ご依頼分まで

細胞や組織サンプルをアクティブ・モティフに送るだけ！

もちろん！いつものように**バイオインフォマティクス解析**も含まれます！



### ATAC-Seq

（オープンクロマチン領域の解析）



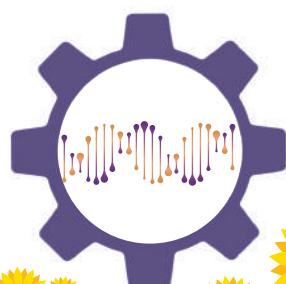
### CUT&RUN

（少量サンプルで転写因子解析）



### CUT&Tag

（少量サンプルでヒストン修飾解析）



### RRBS

（CpG 領域の DNA メチル化解析）



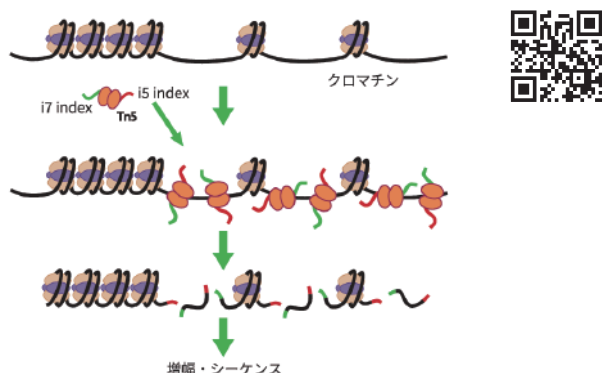
サンプル提出期限は 10 月末までに日本法人必着!!

[activemotif.com](https://activemotif.com)

## キャンペーン対象の解析について (ATAC-Seq, CUT&Tag, CUT&RUN, RRBS)

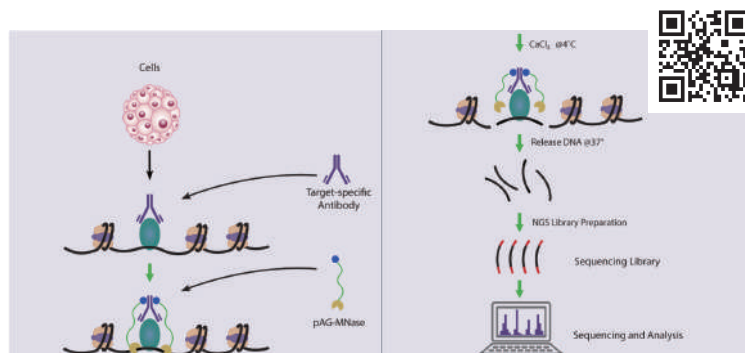
### ATAC-Seq ゲノムワイドなオープンクロマチン領域解析

ATAC-Seqは、シーケンス用アダプターを付加したTn5トランスポゼースを利用して、オープンクロマチン領域を決定する方法です。網羅的にゲノム上の活性化領域を解析できます。



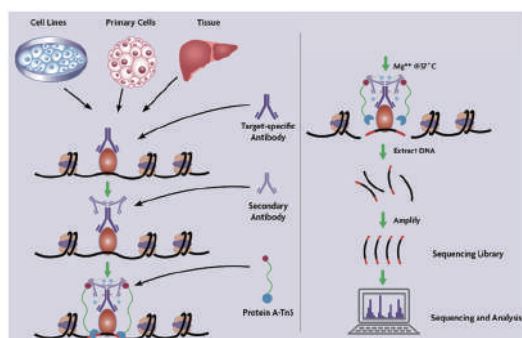
### CUT&RUN ChIP 法より少量サンプルの転写因子解析

CUT&RUNは、様々なクロマチン関連タンパク質とその修飾のゲノム全体にわたる分布を解析するための手法です。特に転写因子解析において、高感度かつ少量サンプルで解析できます。



### CUT&Tag Tn5トランスポゼースによるヒストン修飾解析

CUT&Tagは、ChIP-Seqと同様に抗体を使って標的タンパク質(修飾されたヒストンまたは転写因子)とDNAの結合領域を解析する方法です。ChIP-Seqよりも迅速・簡単な手法であり、少量サンプルへの適用が可能です。



### RRBS 1塩基解像度のDNAメチル化解析

RRBSは、DNAメチル化の多くが存在するゲノム領域(CpG)に集中してシーケンスを行う方法で、単一ヌクレオチドの解像度でゲノムワイドにDNAメチル化を解析することが可能です。



受託サマーキャンペーンのウェブページはこちら!

<https://www.activemotif.com/promotions>

ご相談は随時承っております。テクニカルサポート (japantech@activemotif.com) までご連絡ください。

## キャンペーン対象の解析データと遺伝子発現データの統合解析も可能!!

### 3'RNA-Seq Tn5トランスポゼースを利用した遺伝子発現解析

Express RNA-Seqは、Tn5トランスポゼースを用いた次世代ライブラリ調製法によるRNA-Seqです。ポリA選択後に逆転写して得られたcDNAをTn5でタグメンテーションし、同時にアダプターを挿入することでライブラリを構築します。これにより、従来法と比べて簡便かつ迅速にライブラリ調製が可能で、少量のサンプルからでも効率的に遺伝子発現解析を行うことができます。

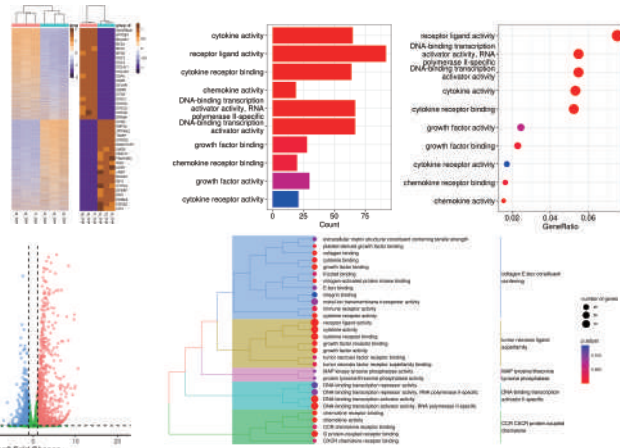


細胞や組織サンプルの場合、解析費用にはRNA抽出やRIN QC、バイオフィーマティクス解析まで全て含まれています。

- 基本解析 (発現定量、PCA、ヒートマップなど)
- DEG 解析
- GO 解析



### 国内トップクラスの費用対効果を誇る 3'RNA-Seq 解析サービス



アクティブ・モティフ株式会社

〒162-0824 東京都新宿区堀場町 2-21  
Tel: 03-5225-3638 Fax: 03-5261-8733  
E-mail: japantech@activemotif.com  
www.activemotif.com

取扱店