

春

の NGS
解析キャンペーン

2026年6月30日(火) ご発注分まで

RNA-seq (Poly-A 選択法)

データ取得 ~ DEG 解析プラン^{※1}6Gb: **¥38,000**^{※2} + 税 / 検体

データ解析実施内容

- データQC ・トリミング ・マッピング ・リードカウント
- TPM値/FPKM値の算出 ・相関分析 ・主成分分析 ・階層的クラスタリング
- ヒートマップ描画 ・DEG(発現変動遺伝子) 解析^{※3}

データ取得 ~ DEG 解析 + オプション解析プラン^{※1}6Gb: **¥43,000**^{※2} + 税 / 検体

データ解析実施内容

- データQC ・トリミング ・マッピング ・リードカウント
- TPM値/FPKM値の算出 ・相関分析 ・主成分分析 ・階層的クラスタリング
- ヒートマップ描画 ・DEG(発現変動遺伝子) 解析^{※3}

オプション解析

- GO解析^{※3} ・KEGGパスウェイ解析^{※3} ・GSEA 解析^{※3・4}

データ取得仕様・サンプル要件

シーケンサー/リード長	NovaSeq X Plus/PE150
サンプル要件 ^{※5}	総量 1µg 以上、濃度 50ng/µL 以上、液量 20µL 以上

※1: RNA 抽出からのご依頼の場合は、ご相談ください。

※2: 上記価格は、当社の標準リファレンスで解析をおこなった場合の価格となります。

※3: 2群比較解析は、比較パターン数が5比較以上をご希望の場合は、ご相談ください。

※4: GSEA 解析につきましては、ヒト・マウスのみの実施となります。

※5: 要件を満たさない場合、微量プランもございますのでご相談ください。

WGS (Whole Genome Sequencing)

データ取得～SV解析+CNV解析プラン^{※6・7} (ヒト・マウス・ラット向け)

90Gb: **¥125,000+税**/検体

データ解析実施内容

- ・データQC ・トリミング ・マッピング ・変異または多型の検出^{※8} ・変異または多型へのアノテーション
- ・SV解析 ・CNV解析

データ取得+ベーシック解析プラン^{※6・7} (その他の生物種向け)

1Gb: **¥35,000+税**/検体

4Gb: **¥40,000+税**/検体

10Gb: **¥50,000+税**/検体

データ解析実施内容

- ・データQC ・トリミング ・マッピング ・変異または多型の検出^{※8} ・変異または多型へのアノテーション

ヒトWES (Whole Exome Sequencing)

データ取得+ Somatic解析プラン^{※6・9}

(正常サンプル)

6Gb: **¥53,000+税**/検体

(腫瘍サンプル)

12Gb: **¥60,000+税**/検体

データ解析実施内容

- ・データQC ・トリミング ・マッピング ・変異または多型の検出^{※8} ・変異または多型へのアノテーション
- ・CNV解析 ・TMB解析

データ取得+ Germline解析プラン^{※6・9}

6Gb: **¥48,000+税**/検体

データ解析実施内容

- ・データQC ・トリミング ・マッピング ・変異または多型の検出^{※8} ・変異または多型へのアノテーション

データ取得仕様・サンプル要件

シーケンサー／リード長	NovaSeq X Plus／PE 150
サンプル要件 (WGS)	<PCRフリー> 総量 2μg以上、濃度 50ng/μL以上、液量 20μL以上
	<PCRあり> 総量 500ng以上、濃度 50ng/μL以上、液量 20μL以上
サンプル要件 (WES)	総量 800ng以上、濃度 20ng/μL以上、液量 20μL以上

※6: DNA抽出からのご依頼、取得データ量の変更をご希望の場合は、ご相談ください。

※7: 掲載分以外のデータ量をご希望の場合は、ご相談ください。

※8: 検出される変異または多型の種類は、SNVs／small indels／MNVsとなります。

※9: マウスでの実施も可能ですので、ご希望の場合はご相談ください。

販売店

Rhelixa

Decoding Life, Creating Future

〒104-0042

東京都中央区入船 3-7-2 KDX 銀座イーストビル 5F

Email : sales-support@rhelixa.com

Tel : 03-6272-3115 (代表)