



空間的遺伝子発現解析 (Trekker™)

キャンペーン期間：2025年10月6日（月）～2026年3月18日（水） サンプル受領まで

論文作成には欠かせない

パスウェイ・GO解析、擬似系譜解析

解釈支援の報告会2回

まで込みのスペシャルプライス

2サンプル **320万円**（税抜）

※Xenium 5K、Visium HD、Trekker™、Stereo-seq™、CosMx™等も対応可能です。

サービス内容

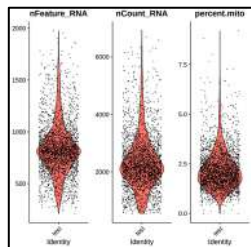
●【WET】空間的遺伝子発現解析

- 凍結組織からのTrekker™(10x10 mm) 切片貼付・RNA抽出・核抽出
- Chromium Single Cell 3' ライブラリー作製
- NovaSeq™（イルミナ社）次世代シーケンサーを用いたシーケンス

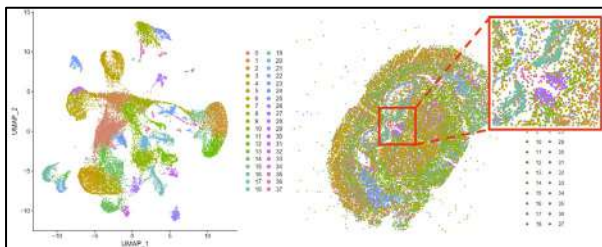
●【DRY】データ解析

- 解析レポート、報告会（2回実施、手法解説、結果解釈のディスカッション）、アフターフォロー（メールでのQ&A）
- 発現定量解析（クオリティコントロール、正規化、データ統合、次元削減、クラスタリングおよびUMAP上の可視化・空間座標上の可視化、クラスタごとの特徴遺伝子の探索、着目遺伝子の発現量可視化（Feature plot, Violin plot））
- サンプル間比較解析（各クラスタにおけるサンプル間発現比較解析、Gene Ontology解析、Reactomeパスウェイ解析）
- 擬似系譜解析（Cell trajectoryの推定、Pseudotime の推定、着目遺伝子の発現パターン可視化）

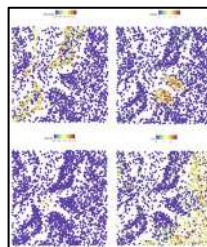
データ解析内容



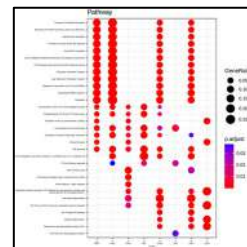
クオリティコントロール



クラスタリング・着目領域の抽出



発現量可視化



パスウェイ解析

サンプル要件 / 注意事項

サンプルタイプ：新鮮凍結組織、OCT包埋組織

- ※ 解析領域：10 mm x 10 mm
- ※ 受注単位は2サンプルとなります
- ※ 生物種：ヒト、マウス、ラット
その他の真核生物は事前にご相談ください：9万円/回の追加料金
- ※ 組織種などはお問い合わせください。

価格表（税抜）

製品名		価格
Trekker™ WET & DRY	2サンプル	320万円 (160万円/サンプル)
	4サンプル	520万円 (130万円/サンプル)

※ オプティマイズ試験費用、諸経費込みの総額費用
※ データ解析のみをご希望の場合は別途お問い合わせください。

ご利用の流れ

WET 実験（3ヶ月）

DRY 解析（2～3ヶ月）



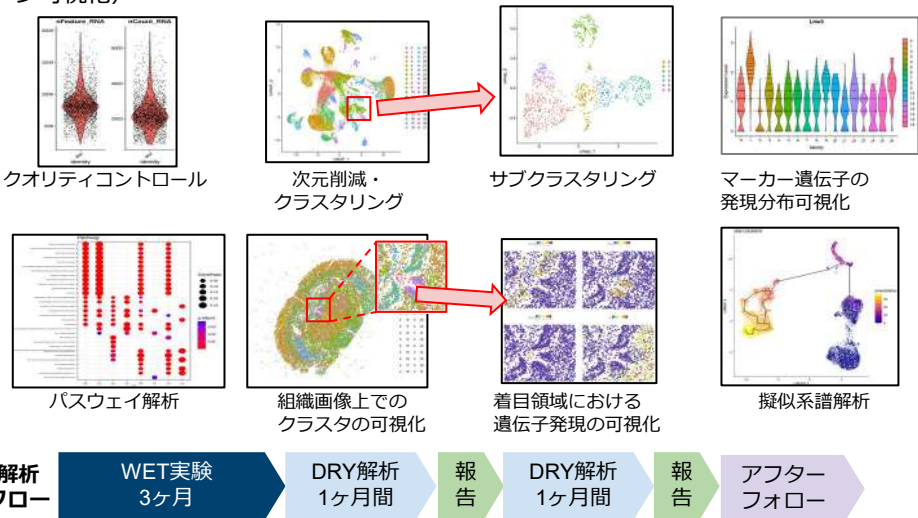
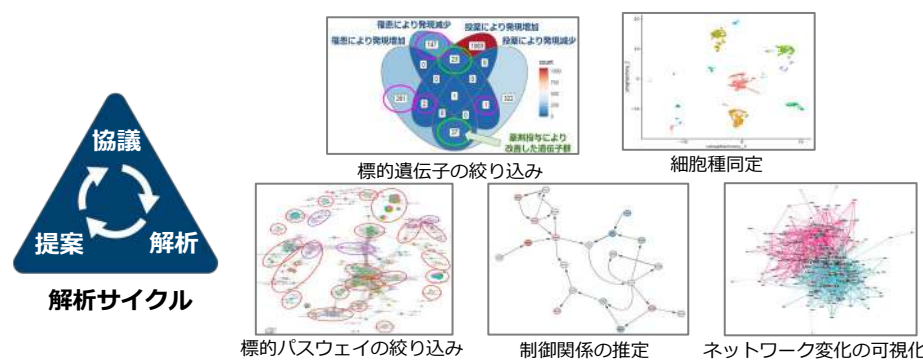
- 研究目的、サンプル情報をヒアリングし、お見積りを作成します。
- ご発注後、サンプルを準備いただき、シーケンスを行います。
- 中間報告会にて、途中結果の報告および解析方針の確認、内容についてのディスカッションを行います。
- 最終報告会にて、結果の報告および内容について、ご報告します。



空間的遺伝子発現解析 (Trekker™)

キャンペーン期間：2025年10月6日（月）～2026年3月18日（水） サンプル受領まで

データ解析の目的に合わせたプラン選択が可能

プラン	解析内容	こんな方にお勧め
標準解析 プラン	- 発現定量解析（クオリティコントロール、正規化、データ統合、次元削減、クラスタリングおよびUMAP上の可視化・空間座標上の可視化、クラスタごとの特徴遺伝子の探索、着目遺伝子の発現量可視化（Feature plot, Violin plot）） - サンプル間比較解析（各クラスタにおけるサンプル間発現比較解析、Gene Ontology解析、Reactomeパスウェイ解析） - 擬似系譜解析（Cell trajectoryの推定、Pseudotimeの推定、着目遺伝子の発現パターン可視化）  クオリティコントロール 次元削減・クラスタリング サブクラスタリング マーカー遺伝子の発現分布可視化 パスウェイ解析 組織画像上でのクラスターの可視化 着目領域における遺伝子発現の可視化 擬似系譜解析 解析フロー: WET実験 3ヶ月 → DRY解析 1ヶ月間 報告 → DRY解析 1ヶ月間 報告 → アフターフォロー	- 着目している細胞種と考えられるクラスタのみ解析して欲しい - 中間報告の結果を見たあと、興味深い遺伝子の発現量を可視化して欲しい - 論文に使える図が欲しい - 論文のストーリーを組み立てられる解析をしてほしい
コンサルティング プラン	- 議論を繰り返しながら、目的に応じた最適な解析方法を提案、実施 - 解析途中で生じた課題に対して、解決方法を提案、実施 - High impact な論文にも耐える水準のレポートを提供  協議 提案 → 解析 → 協議 解析サイクル 標的遺伝子の絞り込み 細胞種同定 標的パスウェイの絞り込み 制御関係の推定 ネットワーク変化の可視化	- バイオインフォマティクスと議論しながら研究を推進したい - あらゆるデータ解析をやり尽くし、多角的に検証したい - ベイジアンネットワーク解析による遺伝子間の制御関係の推定など、高度な手法や最新の手法を用いた解析を行いたい

※コンサルティングプランは別途御見積になります。

※ 本チラシに記載されている会社名および商品名などは、各社の商号、または登録済みもしくは未登録の商標であり、これらは各所有者に帰属します。

お問い合わせ先

アメリエフ株式会社

〒105-8433

東京都港区西新橋3-7-1

ランディック第2新橋ビル2階

publicity@amelieff.jp



https://amelieff.jp/enquiry/form_commissioned_25sep/