

キャンペーン期間：2025年10月6日（月）～2026年3月18日（水） サンプル受領まで

パスウェイ・GO解析 解釈支援の報告会 まで込みのスペシャルプライス

WET&DRY

3.5万円/サンプル（税抜）

※標準解析プランの場合
(NovaSeq™6Gbストランド特異的 報告会付き)

DRY(データ解析)のみ

1.8万円/サンプル（税抜）

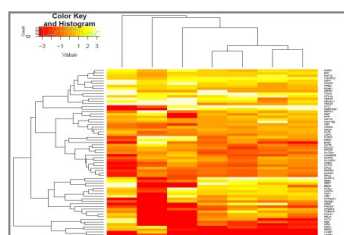
サービス内容

【WET】RNAシーケンス

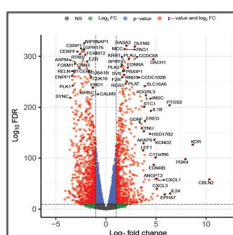
- ライブラリ調製
- Illumina社 NovaSeq™ X Plus / MGI社 DNBSEQ™ によるシーケンシング（PolyA、150PE）

【DRY】データ解析（標準解析プラン）

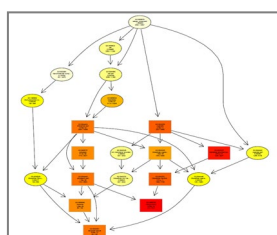
- 発現定量解析：マッピング、発現定量、階層的クラスタリング（ヒートマップ描画）、主成分分析
- 二群間の発現量比較解析（サンプル数によって組み合わせ数を決定）：Volcano plot
- エンリッチメント解析：Gene Ontology解析、Reactome/パスウェイ解析
- 解析レポート、報告会（手法解説、結果解釈のディスカッション）、アフターフォロー（メールでのQ&A）



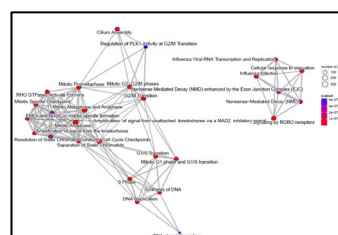
階層的クラスタリング



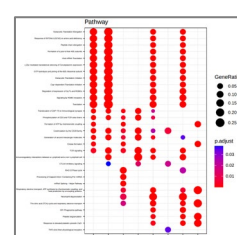
Volcano Plot



Gene Ontology解析



パスウェイ解析



価格表（税抜）

【WET&DRY】RNAシーケンス+データ解析

合計金額=①解析費用 (サンプル数×単価) + ②納品費 + ③取扱手数料

製品名【WET&DRY】	基礎解析	標準解析
①DNBSEQ™4Gb	2.0万円/サンプル	2.8万円/サンプル
①NovaSeq™6Gbストランド特異的	2.7万円/サンプル	3.5万円/サンプル
①NovaSeq™9Gbストランド特異的	3.0万円/サンプル	3.8万円/サンプル
②納品費	クラウド納品	0.4万円/回
	HDD納品	4.0万円/台
③取扱手数料	0.6万円/回	

【DRY】データ解析のみ

合計金額=①解析費用 (サンプル数×単価)

製品名【DRY】	基礎解析	標準解析
①データ解析のみ	1.0万円/サンプル	1.8万円/サンプル

※ 4サンプル未満でも4サンプル分の費用がかかります。
 ※ 20サンプル以上の場合、
 ボリュームディスカウントが適用されます。
 ※ 左記以外の仕様も対応可能です
 （プラットフォーム、データ量、ストランド特異的の有無）
 お気軽にご相談ください。

サンプル要件 / 納期

サンプルタイプ：total RNA（RNA抽出からの対応も可）

総量 (ng)	液量 (μL)	濃度 (ng/μL)	RIN値	純度
200以上	10以上	20以上	4.0以上 with flat base line	OD260/280 = 1.8-2.2 OD260/230 ≥ 1.8 no degradation, no contamination

- ※ サンプルQCでRNA総量またはRIN値が非常に低い場合は、再提出をお願いすることがございます（再提出1回まで無償対応）
- ※ シーケンシングは日本（NovaSeq:真核生物のみ）またはシンガポール・中国にて実施します
- ※ 対応生物種：ヒト・マウス・ラット
その他の生物種はご相談ください（DRY:9万円/回の追加料金）
- ※ 原核生物の場合、WET:1.5万円/サンプルの追加料金
- ※ RNA抽出からご依頼時
料金：1.2万円/サンプルの追加料金（原核生物は別途見積）
サンプル要件：分離細胞 1.0×10^5 細胞以上、組織切片10-30 mg
- ※ DRY（データ解析）のみの場合、FASTQファイル（生データ）から受付いたします

納期

WET実験
1ヶ月間DRY解析
1~1.5ヶ月間報
告アフター
フォロー

キャンペーン期間：2025年10月6日（月）～2026年3月18日（水） サンプル受領まで

標準解析プラン：データ解析者の視点で研究支援



報告会イメージ

レポート

経験豊富な解析担当者が研究目的を踏まえた所感を添えたレポートを提供します。

報告会

解析結果の解釈に関して解析担当者からの報告とディスカッションを行います。

アフターサポート

報告会后 1 カ月間、メールでのQA対応や図の調整を行います。

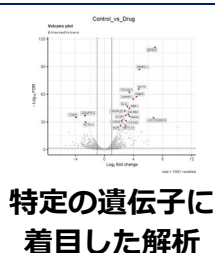
基礎解析プラン

- ・発現定量解析
- ・二群間比較解析
- ・GO解析
- ・パスウェイ解析

標準解析プラン

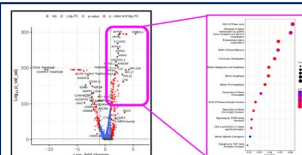
- ・発現定量解析
- ・二群間比較解析
- ・GO解析
- ・パスウェイ解析
- ・レポート+報告会
+アフターサポート

データ解析オプション



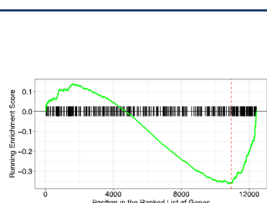
特定の遺伝子に着目した解析

マーカー遺伝子として既知の遺伝子、着目する遺伝子のみを用いたヒートマップ、それらの遺伝子を強調したVolcano Plotを描画します。また、特定のGO termやパスウェイに着目した同様の解析も可能です。



エンリッチメント解析の条件検討

エンリッチメント解析に使用する遺伝子のlogFCやFDRの条件を検討します。これにより、二群間で特徴的に変動している遺伝子を精度良く抽出可能となり、比較群の特徴がより明確になります。



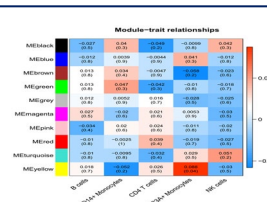
GSEA

特定の機能を持つ遺伝子グループに着目し、二群間で個々の遺伝子の発現がどのように変化したかを、グループ全体の傾向として捉えます。全遺伝子を発現順に並べたリスト上で、黒い縦線は遺伝子の位置を示し、緑の線はそのエンリッチメントスコアを示します。



ベン図作成、追加エンリッチメント解析

二群比較の結果を用いてベン図を作成し、重なり部分、または特定の比較組合せでユニークに発現変動している遺伝子をリストアップしてエンリッチメント解析を実施します。



WGCNA

遺伝子発現量の相関から遺伝子群（モジュール）を特定し、表現型との相関を解析するWGCNAを実施します。解析データから表現型と関連するモジュールを抽出することで、表現型の制御に重要な遺伝子を予測可能です。

オプション価格表（税抜）

追加解析オプション	単価
特定の遺伝子に着目した解析	5.0万円/組合せ
エンリッチメント解析の条件検討	3.0万円/組合せ
2群間比較解析の組み合わせ数の追加	2.5万円/組合せ
ベン図作成、追加エンリッチメント解析	5.0万円/組合せ
GSEA (エンリッチメントスコアの可視化)	5.0万円
WGCNA (既存DBに依存しない意味推定)	6.0万円

※ 本チラシに記載されている会社名および商品名などは、各社の商号、または登録済みもしくは未登録の商標であり、これらは各所有者に帰属します。

お問い合わせ先

アメリエフ株式会社

〒105-8433

東京都港区西新橋3-7-1

ランディック第2新橋ビル2階

publicity@amelieff.jp



https://amelieff.jp/enquiry/form_commissioned_25sep/