

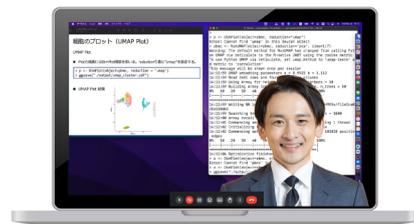
バイオインフォマティクス トレーニング キャンペーン

データ解析未経験の研究者が 8週間で学ぶバイオインフォマティクス RNA-seq解析・シングルセルRNA-seq解析・空間的遺伝子発現解析



キャンペーン期間：2025年5月20日（火）～2025年7月31日（木）

NGS解析領域	空間的遺伝子発現解析
	シングルセルRNA-seq解析
	RNA-seq解析
プログラミング領域	R
ITインフラ領域	Linux



体系的に学べる

目標となる解析技術を身に付けるため
基礎から体系的に学習できるカリキュラム

実践的なコマンド実習

動画学習とサーバ実習を通して
段階的に学びを深め
自分のペースで実践的に学習

プロに質問できる

現役バイオインフォマティシャンに
質問できるWeb会議形式の
ハンズオン質問会

基礎2科目（Linux+R）+応用1科目（RNA-seq解析・シングルセルRNA-seq解析・空間的遺伝子発現解析から選択）の、お得な価格で体系的な学びをご提供する「スタンダードコース」新登場。バイオインフォマティクス初学者の方も、標準的な解析手法を自分で実行できるようになります。

対象期間	： 2025年5月20日（火）～2025年7月31日（木）
キャンペーン対象	： スタンダードコース（希望小売価格から10%OFF）
実施形式	： オンライン
注意事項	： 訪問・同時双方向型トレーニング、オンデマンド実習プラン（単科目）は対象外

受講イメージ



お問い合わせ先

アメリエフ株式会社
〒105-8433
東京都港区西新橋3-7-1
ランディック第2新橋ビル2階
publicity@amelieff.jp



https://amelieff.jp/enquiry/form_training_25may/

スタンダードコース詳細

コース	内容	キャンペーン価格
RNA-seq解析	Linux、R、RNA-seq解析（動画視聴＋サーバ実習）、ハンズオン質問会（科目毎1回）	18万円 /名（税抜）
シングルセルRNA-seq解析	Linux、R、シングルセルRNA-seq解析（動画視聴＋サーバ実習）、ハンズオン質問会（科目毎1回）	21.6万円 /名（税抜）
空間的遺伝子発現解析	Linux、R、空間的遺伝子発現解析（動画視聴＋サーバ実習）、ハンズオン質問会（科目毎1回）	27万円 /名（税抜）

※学習期間（動画視聴＋サーバ実習＋ハンズオン質問会）は8週間となります。

※ハンズオン質問会は各科目別に月1回（固定日）、参加者を限定せずに開催いたします。

※日程調整可能なマンツーマンでの個別レッスンの追加やオンデマンド実習の延長も、別途有償で可能です。詳細はお問合せください。

科目詳細

科目名	科目詳細	標準学習時間
Linux	<ul style="list-style-type: none"> Linuxの概要 ディレクトリ構造、ファイルやディレクトリの作成・コピー・移動・削除、絶対パスと相対パス、アクセス権限、ファイル内容の加工 ソフトウェアのダウンロード・インストール 	300分 （動画48分）
R	<ul style="list-style-type: none"> 起動・終了、基本的演算（四則計算など）、変数の取り扱い、オブジェクトの取り扱い、ベクトル・リスト・マトリクス・データフレームの取り扱い 基本統計量の計算、作図 パッケージのインストール・読み込み 	300分 （動画74分）
RNA-seq解析	<ul style="list-style-type: none"> NGS基礎知識と主なファイル形式 公開データの取得方法 RNA-seq解析：クオリティチェックとクオリティコントロール、マッピング、発現定量、正規化、発現変動遺伝子の検出、結果の可視化、発現定量と発現比較、GOエンリッチメント解析、パスウェイエンリッチメント解析 	360分 （動画74分）
シングルセルRNA-seq解析	<ul style="list-style-type: none"> シングルセルRNA-seq解析基礎知識と解析の流れ Seuratを用いた解析：データの読み込み、クオリティコントロール、正規化、フィルタリング、データのスケールアップとノイズの除去、次元削減、下流解析で使用する主成分軸数の決定、クラスタリングと結果の可視化、マーカー遺伝子探索、統合解析 	420分 （動画60分）
空間的遺伝子発現解析	<ul style="list-style-type: none"> 空間的遺伝子発現解析基礎知識と解析の流れ Seuratを用いた解析：クオリティコントロール・正規化、次元削減・クラスタリング・細胞のプロット、マーカー遺伝子探索・発現量の視覚化、空間座標の抽出、データ統合、GOエンリッチメント解析 	480分 （動画144分）