



RNA-seq解析



キャンペーン期間：2024年4月1日（月）～7月16日（火） サンプル受領まで

論文作成には欠かせない

Gene Ontology解析

パスウェイ解析

まで込みのスペシャルプライス

4.0万円/サンプル（税抜）

※20サンプル以上の場合の価格、詳細は下記価格表をご参照ください

サービス内容

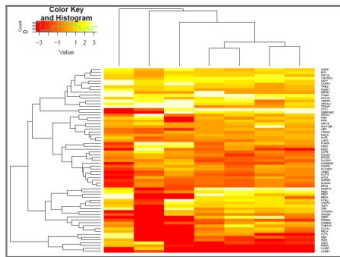
【WET】RNAシーケンス

- ライブラリ調製
- Illumina社 NovaSeq6000によるシーケンシング（PolyA 4Gb/13.3Mペアエンドリード、non stranded RNA-seq）
※4Gbを超える場合や、strand specific RNA-seqをご希望の場合はお問合せください

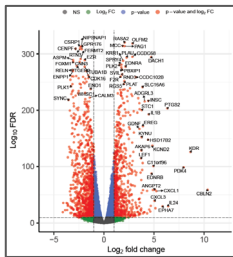
【DRY】バイオインフォマティクス解析

- 解析レポート、最終報告（手法解説、結果解釈のディスカッション、結果データ式の納品）
- 発現定量解析：マッピング、発現定量、階層的クラスタリング（ヒートマップ描画）、主成分分析
- 二群間の発現量比較解析：Volcano plot
※サンプル数によって対応可能な組み合わせ数が異なります。統計的な解析には 各群3サンプル以上必要です。
- エンリッチメント解析：Gene Ontology解析、Reactomeパスウェイ解析

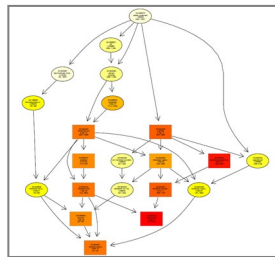
データ解析内容



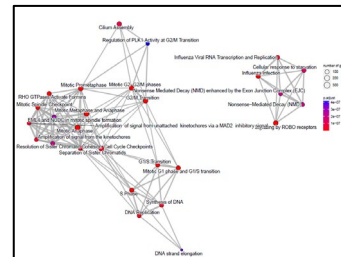
階層的クラスタリング



Volcano Plot



Gene Ontology解析



パスウェイ解析

サンプル要件 / 注意事項

サンプルタイプ：total RNA

総量 (ng)	液量 (μL)	濃度 (ng/μL)	RIN値	純度
200以上	10以上	20以上	4.0以上 with flat base line	OD260/280 = 1.8-2.2 OD260/230 ≥ 1.8 no degradation, no contamination

- ※ サンプルQCでRNA総量またはRIN値が非常に低い場合は、再提出をお願いすることがございます。
- ※ シーケンシングはシンガポールにて実施します。
- ※ ヒトおよびマウス、ラット以外の生物種をご希望の場合は、お問合せください。

価格表（税抜）

製品名	単価	
①RNA-seq WET&DRY	6~19サンプル	4.5万円/サンプル
	20サンプル以上	4万円/サンプル
②納品費	クラウド納品	0.4万円/回
	HDD納品	4万円/台
③輸送費	0.6万円/回	

上記の解析に必要な費用は下記の合計金額（税抜）になります。

合計金額 =

①解析費用 (サンプル数×単価) + ②納品費 + ③輸送費



シングルセル遺伝子発現Flex



キャンペーン期間：2024年4月1日（月）～7月16日（火） サンプル受領まで

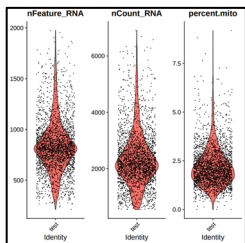
パスウェイ解析、擬似系譜解析

まで込みのスペシャルプライス

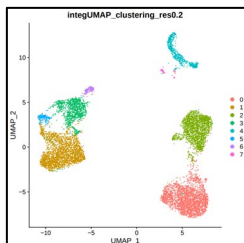
4サンプル **260**万円（税抜）

サービス内容

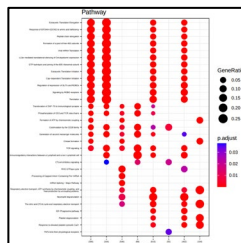
- **【WET】シングルセル遺伝子発現Flex**
 - 10x Genomics社 Chromium Single Cell Gene Expression Flexによるライブラリ調製
 - Illumina社 NovaSeq6000による1.5億リード / サンプル のシーケンシング
 - Cell Rangerによる発現定量
- **【DRY】バイオインフォマティクス解析**
 - 解析レポート、中間報告および最終報告（手法解説、結果解釈のディスカッション）
 - 発現定量解析（クオリティコントロール、正規化、データ統合、次元削減、クラスタリングおよびUMAP上の可視化、クラスタごとの特徴遺伝子の探索、着目遺伝子の発現量可視化（Feature plot, Violin plot））
 - サンプル間比較解析（各クラスタにおけるサンプル間発現比較解析、Gene Ontology解析、Reactomeパスウェイ解析）
 - 擬似系譜解析（Cell trajectoryの推定、Pseudotimeの推定、着目遺伝子の発現パターン可視化）



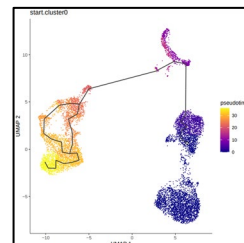
クオリティコントロール



クラスタリング



パスウェイ解析



擬似系譜解析

サンプル要件 / 注意事項

サンプルタイプ：固定分散済み細胞

（Chromium Next GEM Single Cell Fixed RNA Sample Preparation Kit 指定）

- 細胞数は**10⁶**細胞以上であること。
- 固定分散済みの細胞をご提出ください。
- -80℃で保管していること。
- 固定分散は10x Genomics指定の手順に準じ実施していること。

- ※ 生物種はヒトおよびマウスになります。
- ※ FFPEの場合はサンプル要件等異なりますので別途ご相談ください。
- ※ 凍結組織または凍結細胞のご提出で Flexを実施の場合は、固定・細胞分散費用として、30,000円/サンプルが発生します。またプローブを使用してRNAを検出するため、従来法より高感度ですが、配列情報の取得はできません。

価格表（税抜）

製品名		価格
①シングルセル遺伝子発現 Flex WET&DRY	4サンプル	260万円 (65万円/サンプル)
	8サンプル	500万円 (62.5万円/サンプル)
②納品費	クラウド納品	0.4万円/回
	HDD納品	4万円/台

上記の解析に必要な費用は下記の合計金額（税抜）です
合計金額 = ①解析費用 (サンプル数×単価) + ②納品費

ご利用の流れ



- 研究目的、サンプル情報をヒアリングし、お見積りを作成します。
- ご発注後、サンプルを準備いただき、シーケンスを行います。
- 中間報告会にて、途中結果の報告および解析方針の確認、内容についてのディスカッションを行います。
- 最終報告会にて、結果の報告および内容について、ご報告します。

WET 実験 **空間的遺伝子発現解析 (Stereo-seq™)** DRY 解析

キャンペーン期間：2024年4月1日（月）～7月16日（火） サンプル受領まで

論文作成には欠かせない

パスウェイ解析、擬似系譜解析

まで込みのスペシャルプライス

196万円/サンプル（税抜）

※ 1サンプルの場合の価格、詳細は下記価格表をご参照ください

サービス内容

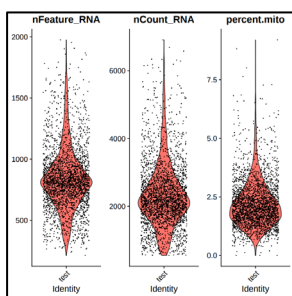
● **【WET】空間的遺伝子発現解析**

- Stereo-seq™ 技術 (STOmics®) を用いた空間座標バーコーディングと遺伝子発現測定
- MGI社 DNBSEQ-G400、またはT7によるシーケンシング (10-15M paired-end reads/検体)

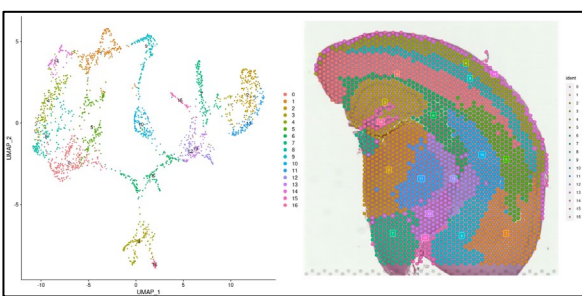
● **【DRY】バイオインフォマティクス解析**

- 解析レポート、中間報告および最終報告（手法解説、結果解釈のディスカッション）
- 発現定量解析（クオリティコントロール、正規化、データ統合、次元削減、クラスタリングおよびUMAP上の可視化・空間座標上の可視化、クラスタごとの特徴遺伝子の探索、着目遺伝子の発現量可視化 (Feature plot, Violin plot)
- サンプル間比較解析（各クラスタにおけるサンプル間発現比較解析、Gene Ontology解析、Reactomeパスウェイ解析）
- 擬似系譜解析（Cell trajectoryの推定、Pseudotimeの推定、着目遺伝子の発現パターン可視化）

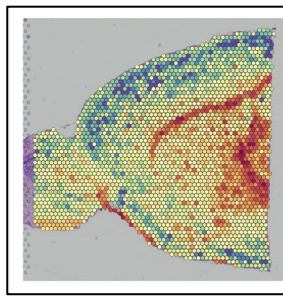
データ解析内容



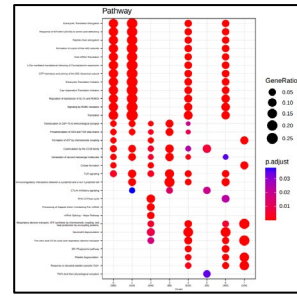
クオリティコントロール



クラスタリング



発現量可視化



パスウェイ解析

サンプル要件 / 注意事項

サンプルタイプ：OCT凍結包埋新鮮組織

- 生物種：ヒト、マウス（それ以外は要相談）
- 組織溶解条件の確認
 - 凍結切片（厚さ10μm）の作成と専用チップChip Pへのマウント
 - 別途切片3~5枚程度を凍結保管（RNA抽出して品質を確認）
- 転写物解析用の実験
 - 凍結切片（厚さ10μm）の作成と専用チップChip Tへのマウント

価格表（税抜）

製品名	価格	
空間的 遺伝子発現解析 (Stereo-seq™) WET&DRY	1サンプル	196万円
	2サンプル	340万円 (170万円/サンプル)
	3サンプル	498万円 (166万円/サンプル)
	4サンプル	580万円 (145万円/サンプル)

※諸経費込みの総額費用

ご利用の流れ



- 研究目的、サンプル情報をヒアリングし、お見積りを作成します。
- ご発注後、サンプルを準備いただき、シーケンスを行います。
- 中間報告会にて、途中結果の報告および解析方針の確認、内容についてのディスカッションを行います。
- 最終報告会にて、結果の報告および内容について、ご報告します。